

Table 2 *Xa23* promoter and allelic *xa23* promoter sequence analysis

EBE _{avrXa23} Haplotype	Germplasm name (consistency%)
H1	CBB23 (100)
H2	JG30 (99); HaiKou (98); 11(99); Dangzhou (99)
H3	9311(96); Minghui 63 (96); R498 (96)
H4	<i>O. meridionalis</i> (87)
H5	<i>O. glumaepatula</i> (83)
H6	Nipponbare (76); <i>O. rufipogon</i> (78); Guangxi (76); 21 (76); 23 (76)
H7	8(93); 9(93); 14(93)
H0	<i>O. longistaminata</i> (44); <i>O. barthii</i> (44); <i>O. glaberrima</i> (43); <i>O. punctata</i> (35); IR24 (46)