Table 2 Genotyping $G l u-B 1$ mutant lines using the iSelect Wheat 90K SNP array

|  | $\mathbf{4 6 . 1 5}$ | $\mathbf{6 2 . 5 8}$ | $\mathbf{6 6 . 0 7}$ | $\mathbf{7 9 . 9 9}$ | $\mathbf{7 9 . 7 7}$ | $\mathbf{8 0 . 5 8}$ | $\mathbf{8 4 . 4 3}$ | $\mathbf{8 5 . 5 7}$ | $\mathbf{9 9 . 7 8}$ | $\mathbf{1 7 3 . 6 2}$ |
| :--- | :--- | :--- | :--- | :--- | :--- | :--- | :--- | :--- | :--- | :--- |
| $\mathbf{c M}$ | $\mathbf{c M}$ | $\mathbf{c M}$ | $\mathbf{c M}$ | $\mathbf{c M}$ | $\mathbf{c M}$ | $\mathbf{c M}$ | $\mathbf{c M}$ | $\mathbf{c M}$ | $\mathbf{c M}$ |  |
| S60E | $\mathbf{Y}$ | $\mathbf{Y}$ | $\mathbf{Y}$ | $\mathbf{Y}$ | $\mathbf{N}$ | $\mathbf{Y}$ | N | $\mathbf{Y}$ | $\mathbf{Y}$ | $\mathbf{Y}$ |
| S62D | $\mathbf{Y}$ | N | N | N | N | N | N | N | N | N |
| S101A | $\mathbf{Y}$ | $\mathbf{Y}$ | N | N | N | N | N | N | N | N |
| S239F | $\mathbf{Y}$ | $\mathbf{Y}$ | $\mathbf{Y}$ | N | N | N | N | N | N | N |
| S261A | $n d$ | $n d$ | $n d$ | $n d$ | $n d$ | $n d$ | $n d$ | $n d$ | $n d$ | $n d$ |

Note: Top row indicates the genetic distance on the long-arm of chromosome 1 of the B-genome

