

Supplementary Table I Sequence details of 50 AHSSR primers used for parental polymorphism study

Sl. No	Primer Name	5-3 sequence	
		Forward Primer	Reverse primer
1	AHSSR 1	CCTGTGACTCAACTCAATCTC	TGGAATACCGAATTAATGCTC
2	AHSSR 2	GTCCAACATGACAATTACAAAA	CTACTTGATTGTACAAAATTTTC
3	AHSSR 3	TGCTTATGGTAACATATGAAGT	AGGATATAATGGTCTAACAAATG
4	AHSSR 4	TCAATCACCTAACATCTTCA	AACTCCAATACGATTTTCTCA
5	AHSSR 5	GATAAGACCTTTTACAAGCA	TGGGGGATAATTACTTTGAC
6	AHSSR 6	CAAGATAACGACCAAAAATGT	CGCTTATCGTTATGATTTTAC
7	AHSSR 7	TGTACAAGTGCAAATAAAGCA	CTTCATAACCACCATCACCTA
8	AHSSR 8	TTTTTCATGAGAAGAAGCATACA	CCTTCTCTAACCTGAACCTA
9	AHSSR 9	GGACTGTAAAAAGCTTTAGGAA	CAATCCTCATTCATATACCT
10	AHSSR 10	TTTTAACATCAAGGTTCCGTA	AATTCTTCTAACATGCACCT
11	AHSSR 11	ATTTTGGAGGATACAGCATTT	ACCATCACGAGTATATCTCCA
12	AHSSR 12	GGGGTCATGTTATTTTCTCTT	AGGTAGTTTGGAGGGTAATCT
13	AHSSR 13	CAAACATGACCAACCATACT	GCAGATTTGATGCTCTACAGT
14	AHSSR 14	TCCATCCAACATAACAATCTT	CATTTACGCTGATTGAATCTT
15	AHSSR 15	ATTATTAAGGACGAGGTGT	GTTATGTCACAAATCGGTATC
16	AHSSR 16	ATAATTTGGGGTGAATGTTTC	AACTTGTAAGGAATGTATGG
17	AHSSR 17	TGAAACCCTTACATCAACATT	TCCTGTCTGTCCAGAAGTTA
18	AHSSR 18	CGTATCCAAGAGAAGTGAAG	GAACCACCTAGGTACAACACA
19	AHSSR 19	GCAACCACACTATTATTCAC	CGGAAAGGTTAGTTCAAATTA
20	AHSSR 20	AATGTTCTATTGTTTTACGAGTG	AATTTCTCGTGTGATTGTGAT
21	AHSSR 21	GCAGGTCAGTTGCTTAACATA	AAGGCCAGAAATAACTTCTTC
22	AHSSR 22	TCACAAACACAACAACAAT	CTCTCTGCAGTTCTGGAATAC
23	AHSSR 23	AAAGCTATGGAGCAATAGAAGA	TAATGGGTTGACCAGAAATTA
24	AHSSR 24	GGAATGTGGAATTATAACCAA	GGTTGTAAAACGAATTTTG
25	AHSSR 25	AATGGTCATAGGGGATTAGAA	GCAATGTCAATGTTGAGAAT
26	AHSSR 26	AACCTTCAAACACTTGCATAA	CCATGTTCTCTACTCAAATA
27	AHSSR 27	CTTTGGGAATTTATACGAACA	TTTGTGTAAAACGATGTGAGA
28	AHSSR 28	GATTTGAAACTCTCTATGTTGAA	TAACAACCTTCACCTTGATA
29	AHSSR 29	AGAACACACAAAATGTAAGG	CTAGTGTATGGCATCACCATC
30	AHSSR 30	CTCCCGCAAAATCATGTA	GATTGTCAAATGAAGAATGAGA
31	AHSSR 31	ACATCTGAGATTTTCTACTCG	ATAGAGATTTGCAGCGTCTTT
32	AHSSR 32	CTTGCGTCTTCTCAGAATTA	GCATACATAGTTATCGAATCCA
33	AHSSR 33	TGGAAAGTCACTCTTTTTAATAC	TCTCACTCATCTATTCACAATTT
34	AHSSR 34	TCTTGAGTAAGTGAACATTCAAA	GGTGAAACTCAACTCAACACT
35	AHSSR 35	TGTGAGTCCAACAGTAAACA	AAGAAAATTAGGCTGAGGTTG
36	AHSSR 36	GCCCTTATTTGGTAGCTTAG	TTAATGTCATTTTCACTCCTC
37	AHSSR 37	TCAAAACTCCTCAGGTAATAAAA	ACTGCATTTAGTTTGGACAG
38	AHSSR 38	CACGTATAACAAATTGAAACCA	GATGTGAGACAACGAGATGTT
39	AHSSR 39	CCAAAAACACAAAATGTTTAC	TATCTATGATCCACCCAGTCA
40	AHSSR 40	GTCGCAAAAACACACTAATCT	GCATTACATCCACAATTTAC
41	AHSSR 41	GTACGATACATGGTTAAATTACA	AAAAATGGCCCTCTAAAAA
42	AHSSR 42	TTCAATATGTTGCCATATACC	CCAGATCCAAATTAAGAATG
43	AHSSR 43	GGCTTTAGGTTAGTAGTCAATTT	GCATTTCTAATGAGTGTTTTGA
44	AHSSR 44	ACTGAACCAATAATGTTTGA	AAATGGGGTACTCGTATTAG
45	AHSSR 45	GGTGAAGGAATCTTAACTT	ACTTTCCTTTGATGCTTTTC
46	AHSSR 46	CATCGAGGTTGTTATTTGTT	TTAAGTTGGTCCGTCGATA
47	AHSSR 47	TGATGTGATTGGTAAACACTTT	GCTATTTGGTAAACACTTTGG
48	AHSSR 48	TCATGTCTATGCACCTAATCG	ACCATACCACGACTGTCATAC
49	AHSSR 49	GATATTGCGAGCATATTTTGT	AATGGGAAAAGAGAAGGAAG
50	AHSSR 50	AGTTTTGTGTTTCAACCTG	GAGCAAATAATCATTCAAACAC